

## CURRICULUM VITAE

**Juan Alfredo Holley Reguilo**

D.N.I: 18.842.831.

Fecha de nacimiento: 27 de septiembre de 1981.

Nacionalidad: Argentino.

Dirección: Calle Los Nogales, n° 4358.

Puerto Madryn-CHUBUT.

**Cel.: 280-4645900**

[jaholley81@gmail.com](mailto:jaholley81@gmail.com)

### Formación Académica

- 2013-2021** **Doctor en Biología.** Universidad Nacional del Comahue. Proyecto de tesis doctoral titulado “Filogenia, reloj molecular y biogeografía del clado Chelidae (Testudines, Pleurodira)”. Dirigido por el Dr. Néstor G. Basso y co-dirigido por la Dra. Juliana Sterli. Lugar de trabajo: Instituto de Diversidad y Evolución Austral (IDEAus-CONICET), Puerto Madryn-Chubut.
- 2007-2013** **Licenciado en Cs. Biológicas.** Facultad de Cs. Naturales y de la Salud, Universidad Nacional de la Patagonia. **Título de seminario de grado:** “Relaciones filogenéticas de los linajes vivientes de Cavoidea sensu stricto (Rodentia, Hystricognathi) sobre la base de nuevas secuencias de ADN”. El mismo se llevó a cabo en el Laboratorio de Identificación Genética (IdeGen) del Instituto de Diversidad y Evolución Austral (IDEAus-CENPAT-CONICET) y fue dirigido por las Dras. María Encarnación Pérez y Liza Martinazzo.
- 1995-2000** **Técnico en Electrónica.** Escuela Provincial Politécnica n° 702.

### Experiencia Laboral

- 2019-Actual** **Personal de Apoyo a la Investigación-Adjunto.** Laboratorio de Identificación Genética (IdeGen) del Instituto de Diversidad y Evolución Austral (IDEAus-CENPAT-CONICET). **Marco:** Manejo de muestras biológicas a fin de obtener perfiles genéticos. Uso de software y equipos de laboratorio, tareas destinadas a dar cumplimiento en los requerimientos de procesos de acreditaciones por parte de organismos nacionales e internacionales.
- 2013-2018** **Becario Doctoral de CONICET.** **Marco:** Proyecto de tesis doctoral “Filogenia, reloj molecular y biogeografía del clado Chelidae (Testudines, Pleurodira)”, dirigido por el Dr. Néstor G. Basso y la Dra. Juliana Sterli.
- 2016-Actual** **Jefe de Trabajos Prácticos, Cátedra de Estadística y Elementos de la Matemática.** Facultad de Humanidades y Cs. Sociales, Universidad Nacional de la Patagonia San Juan Bosco– sede Trelew. Dedicación simple.
- 2015-Actual** **Jefe de Trabajos Prácticos, Cátedra de Estadística.** Facultad de Cs. Naturales y Cs. de la Salud, Universidad Nacional de la Patagonia San Juan Bosco– sede Trelew. Dedicación simple.
- 2017-2019** **Auxiliar de Primera, Cátedra de Estadística.** Facultad de Cs. Económicas, Universidad Nacional de la Patagonia San Juan Bosco– sede Trelew. Dedicación

simple.

- 2018-2019** **Profesor titular, Cátedra de Estadística.** Universidad del Chubut – sede Gaiman. Dedicación simple.
- 2013-2015** **Auxiliar de Primera, Cátedra de Estadística.** Facultad de Cs. Naturales y de la Salud, Universidad Nacional de la Patagonia – sede Trelew. Dedicación *ad-honorem*.
- 2010-2013** **Auxiliar de Segunda, Cátedra de Estadística.** Facultad de Cs. Naturales y de la Salud, Universidad Nacional de la Patagonia – sede Trelew. Dedicación *ad-honorem*.

### Pasantías

- 2017** **Laboratorio de Identificación Genética (IdeGen), IDEAus-CONICET.** Capacitación de 25 Hs. en Norma IRAM 301/ISO 17025 y listado maestro implementado en el IdeGen, a cargo del Dr. Néstor G. Basso y el Lic. Luciano Real.
- 2016** **Laboratorio de Identificación Genética (IdeGen), IDEAus-CONICET.** Capacitación de 80 Hs. en investigación forense, con entrenamiento en: operación de Analizador Genético ABI 3130, uso de los softwares Data Collection, Sequencing Analysis y GeneMapper y resolución de casos de identificación y filiación mediante el uso de los softwares GFF, Familias y Lrmix. La misma estuvo a cargo del Dr. Néstor G. Basso y el Lic. Luciano Real.
- 2016** **Laboratorio de Identificación Genética (IdeGen), IDEAus-CONICET.** Capacitación de 250 Hs. en investigación forense, con entrenamiento en: inicio de pericias, extracción de ADN de origen diverso, cuantificación de ADN mediante geles de agarosa, fluorometría y RT-PCR en termociclador ABI 7500; amplificación de secuencias de ADN mitocondrial y nuclear, así como microsatélites en PCR multiplex, reacciones de secuenciación y operación del analizador genético ABI 3130; análisis de perfiles genéticos y realización de informes. Dicha capacitación estuvo a cargo del Dr. Néstor G. Basso y el Lic. Luciano Real.
- 2010-2011** **Laboratorio de Virología y Genética Molecular, UNPSJB.** Capacitación de 200 Hs. en técnicas básicas de biología molecular y microbiología, como: cuantificación de microorganismos en cultivo, incorporación de vectores en plásmidos de bacterias competentes (biblioteca genómica), extracción de ADN genómico y plasmídico, PCR, procesamiento con enzimas de restricción y análisis de productos de reacción en geles de agarosa. Además, se realizó un entrenamiento en bioinformática en cuanto a: manejo de bases de datos de secuencias, análisis de secuencias virales puras y recombinantes y desarrollos de scripts *ad-hoc* en lenguaje R. Dicha capacitación estuvo a cargo de los Dres. Leandro Jones y Julieta Manrique.

### Cursos y Capacitaciones de Posgrado

- 2021** **Fortalecimiento de las Capacidades Técnicas del Banco de Perfiles Genéticos.** Duración seis (6) horas, sin evaluación. Dictado por el Dr. Magnus D. Vigeland.
- 2021** **Uso de GENis: Software de genética forense.** Duración seis (6) horas, sin evaluación. Dictado por Manuel Balparda y María Soledad Escobar.

- 2020**      **Next Generation Microbiology.** Duración cuatro (4) horas, sin evaluación. Dictado por el Dr. Juan Alzate.
- 2020**      **Investigación en Delitos Complejos.** Duración cuatro (4) horas, sin evaluación. Dictado por la Lic. Carina Bernal y el Ing. David Fuentes.
- 2020**      **Genomas Bacterianos, de la mesada a la nube.** Duración cuatro (4) horas, sin evaluación. Dictado por la Dra. Andrea Puebla.
- 2015**      **Diversidad animal II.** Duración noventa (90) horas, con evaluación. Dictado por los Dres. Néstor Basso y Diego Barraso.
- 2015**      **Una aproximación a la filosofía de la biología.** Duración cuarenta (40) horas, con evaluación. Dictado por los Dres. Guillermo Folguera y Juan Emilio Sala.
- 2014**      **Diplomatura en Bioestadística mediada con entorno R.** Universidad Nacional de Córdoba. Duración 240 horas, con evaluación. A cargo del Dr. Arnaldo Mangeaud.
- 2014**      **Scripting y automatización de análisis filogenéticos con TNT.** Duración cuarenta (40) horas, con evaluación. Dictado por el Dr. Pablo Goloboff.
- 2014**      **Hipótesis Modelos y Datos: Integrando conceptos.** Duración cuarenta (40) horas, con evaluación. Dictado por los Dres. Mariano Coscarella y Susana Pedraza.
- 2014**      **Fundamentos de R.** Duración cuarenta (40) horas, con evaluación. Dictado por el Dr. Julio Lancelotti y la Msc. Patricia Dell' Arciprete.
- 2014**      **Métodos filogenéticos.** Duración cuarenta (40) horas, con evaluación. Dictado por los Dres. Santiago Catalano y Marcos Mirande.
- 2013**      **Estadística no paramétrica.** Duración cincuenta (50) horas, con evaluación. Dictado por la Dra. Gilda Garibotti.
- 2014**      **Morfometría Geométrica y Filogenia.** Duración cincuenta (50) horas, con evaluación. Dictado por el Dr. Santiago Catalano.
- 2014**      **Introducción a la epistemología.** Duración cuarenta (40) horas, con evaluación. Dictado por el Dr. Agustín Adúriz-Bravo.
- 2014**      **Biogeografía evolutiva.** Duración cincuenta (50) horas, con evaluación. Dictado por los Dres. Juan José Morrone, Claudia Szumik y Sergio Roig-Juñent.
- 2013**      **Efectos del cambio climático global sobre ectotermos.** Duración cuarenta (40) horas, con evaluación. Dictado por los Dres. B. Sinervo, B. Miles, C. Navas, V. Cussac, N. Ibargüengoytía.
- 2013**      **Introducción a las técnicas de morfometría geométrica.** Duración cuarenta (40) horas, con evaluación. Dictado por el Dr. Rolando Gonzales.

### Publicaciones y Presentaciones en Congresos

- 2022**      **Holley JA, Tamburrini C, Cotichelli L, Real LE, Basso NG. *Haplotype characterization***

of central Patagonian populations, based on 22 autosomal STR loci. *International Journal of Legal Medicine*, Aceptado.

- 2021** Tamburrini C, de Saint Pierre M, Bravi C, Bailliet G, Medina L, Real L, **Holley JA**, Tedeschi C, Parolin ML, Basso NG. *Uniparental origins of the admixed Argentine Patagonia*. *American Journal of Human Biology*, e23682.
- 2019** **Holley JA**, Basso NG, Sterli J. *Dating the origin and diversification of Pan-Chelidae (Testudines, Pleurodira) under multiple molecular clock approaches*. *Contributions to Zoology*, 1(aop), 1-29.
- 2019** ML Parolin, UF Toscanini, IF Velázquez, C Llull, GL Berardi, **JA Holley**, C Tamburrini, S Avena, FR Carnese, JL Lanata, N Sánchez Carnero, LF Arce, NG Basso, R Pereira, L Gusmão. (2019). *Genetic admixture patterns in Argentinian Patagonia*. *PLoS one*, 14(6), e0214830.
- 2017** J. Sánchez, **J. A. Holley**, S. Poljak, A. Bolzan, C. Bravi. (2017). *Phylogenetic and Divergence Time Analysis of the Chelonoidis chilensis Complex (Testudines: Testudinidae)*. *Zootaxa* 4320,3: 487–504.
- 2015** **Holley JA**, Basso NG, Sterli J. (2015). *The impact of the fossils in molecular clocks: an example using chelid turtles*. *PeerJ PrePrints* 3:e1148
- 2019** **XX Congreso Argentino de Herpetología**. *Variaciones en la microanatomía e histología de la lengua de tres especies de tortugas acuáticas sudamericanas (SAUROPSIDA, TESTUDINES)*. VOLONTERI C, **HOLLEY JA**, BALDO D, BOERIS J, BASSO NG.
- 2016** **XVII Congreso Argentino-Paraguayo de Herpetología**. *Combining molecular and morphological information in a new molecular clock for tortoises (Testudines: Pan-Testudinidae)*. **J. A. Holley**, E. Vlachos.
- 2016** **Annual Meeting of the Geological Society of America**. *Effects of non-randomly distributed missing data in support values of bayesian and parsimony analysis*. D. Pol, **J.A. Holley**.
- 2016** **The XXXV Annual Meeting of the Willi Hennig Society**. *Effects of non-randomly distributed missing data in support values of bayesian and parsimony analysis*. D. Pol, **J.A. Holley**.
- 2015** **I Congreso Argentino de Estadística**. *Comparación estadística entre estudios de reloj molecular*. **J. A. Holley**, J. R. Saravia.
- 2015** **XVI Congreso Argentino de Herpetología**. *Filogenia molecular y tiempos de divergencia del clado Chelidae (Testudines, Pleurodira) a partir de nuevas secuencias de ADN*. **J. A. Holley**, J. Sterli, D. Baldo, J. Boeris, N. G. Basso.
- 2015** **5th Turtle Evolution Symposium**. *The impact of the fossils in molecular clocks: an example using chelid turtles*. **J. A. Holley**, N. G. Basso, J. Sterli.

- 2014** **XI Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía.** *Entradas faltantes y medidas de soporte en árboles filogenéticos, un análisis comparativo.* **J. A. Holley.**
- 2013** **XIV Congreso Argentino de Herpetología.** *Fósiles como puntos de calibración de relojes moleculares: Un ejemplo basado en el clado Chelidae.* **J. A. Holley,** N. G. Basso, J. Sterli.
- 2013** **American Society of Mammalogists. 93rd Annual meeting.** *Phylogeny and Evolution of Body Size in Caviidae (Rodentia, Hystricognathi, Caviioidea): Approach of a Combined Analysis with Morphology and Molecular Data.* María E. Pérez, Néstor G. Basso, **Juan Alfredo Holley,** Bruce D. Patterson, Marcelo Weksler.
- 2012** **II Congreso Latinoamericano de Mastozoología.** *Relaciones filogenéticas de Caviidae (Rodentia, Hystricognathi) sobre la base de nuevas secuencias de ADN.* **Holley JA,** Pérez ME, Martinazzo LB, Basso NG.

### Proyectos de investigación

- 2022-Actual** Estudio de las estructuras genéticas en las poblaciones de Patagonia. *Colaborador.*
- 2022-Actual** Estudio de la plasticidad fenotípica y taxonomía de un grupo de ranas endémicas de la Patagonia. *Colaborador.*
- 2021-Actual** Sistemática y taxonomía de *Atelognathus* (Anura: Batrachylidae) con énfasis en las especies distribuidas en Neuquén. *Colaborador.*
- 2020-Actual** Aproximación a la Genética Poblacional de dos especies de tiburones amenazados del Atlántico Sudoccidental: el gatopardo *Notorynchus cepedianus* (Hexanchidae) y el cazón *Galeorhinus galeus* (Triakidae). *Colaborador.*
- 2013-Actual** Filogenia y evolución de Chelidae (Testudines, Pleurodira). *Responsable.*



**Juan Alfredo Holley**